

Brunner-Munzel 検定

青木繁伸

2020 年 3 月 17 日

1 目的

Brunner-Munzel 検定を行う。

2 使用法

```
import sys
sys.path.append("statlib")
from xtest import Brunner_Munzel_test
Brunner_Munzel_test(x, y, alternative="two_sided", conflevel=0.95, verbose=True)
```

2.1 引数

x	第 1 グループのデータベクトルまたはリスト。
y	第 2 グループのデータベクトルまたはリスト。
alternative	対立仮説。デフォルトは "two_sided"。他に, "greater", "less" を指定することができる。
conflevel	信頼率。デフォルトは 0.95, すなわち 95 % 信頼区間を求める。
verbose	必要最小限のプリント出力をする。デフォルトは True。

2.2 戻り値の名前

"t"	検定統計量 (t 分布にしたがう)
"df"	自由度
"pvalue"	p 値
"confint"	信頼区間
"conflevel"	信頼率
"estimate"	標本平均
"alternative"	両側検定・片側検定の種別
"method"	検定手法名


```

    1, 1, 1, 1, 1, 1, 1, 1, 1, 1, 1, 1, 1, 1, 1, 1, 1, 1, 1]
y = [4, 2, 4, 2, 2, 2, 3, 3, 3, 2, 3, 3, 3, 2, 4, 3, 2, 2, 2,
     3, 2, 4, 3, 2, 2, 3, 2, 5, 2, 2, 4, 4, 2, 3, 2, 3, 3, 4, 5, 3,
     2, 2, 2, 4, 3, 5, 3, 4, 3]
d = Brunner_Munzel_test(x, y)

```

```

Brunner-Munzel Test
t = inf, df = inf, p value < 0.0001
alternative hypothesis: true p is not equal to 0.5
95 percent confidence interval: [1, 1]
sample estimate P(X<Y)+0.5*P(X=Y): 1

```

4 既存の Python 関数との比較

4.1 scipy.stats.brunnermunzel()

```

from scipy.stats import brunnermunzel
x = [1,2,1,1,1,1,1,1,1,2,4,1,1]
y = [3,3,4,3,1,2,3,1,1,5,4]
w, p_value = brunnermunzel(x, y)
w

```

3.1374674823029505

p_value

0.005786208666151538

一方の群の全ての値が、もう一方の群の全ての値より大きい（小さい）場合には、正しい出力をしない。
以下のようにエラーメッセージだけが 출력される。

```

import numpy as np
x = np.array([1,2,3,4,5])
y = x+10
brunnermunzel(x, y)

```

/Library/Frameworks/Python.framework/Versions/3.8/lib/python3.8/site-packages/scipy/stats/stats

wbfn /= (nx + ny) * np.sqrt(nx * Sx + ny * Sy)

/Library/Frameworks/Python.framework/Versions/3.8/lib/python3.8/site-packages/scipy/stats/stats

df = df_numer / df_denom

BrunnerMunzelResult(statistic=inf, pvalue=nan)

brunnermunzel(y, x)

/Library/Frameworks/Python.framework/Versions/3.8/lib/python3.8/site-packages/scipy/stats/stats

wbfn /= (nx + ny) * np.sqrt(nx * Sx + ny * Sy)

/Library/Frameworks/Python.framework/Versions/3.8/lib/python3.8/site-packages/scipy/stats/stats

df = df_numer / df_denom

```
BrunnerMunzelResult(statistic=-inf, pvalue=nan)
```