

カイザー・メイヤー・オルキンのサンプリング適切性基準 (KMO, MSA)

青木繁伸

2020年3月17日

1 目的

因子分析の適切性を判断する、カイザー・メイヤー・オルキンのサンプリング適切性基準 (KMO, MSA) を計算する。

2 使用法

```
import sys
sys.path.append("statlib")
from multi import Kaiser_Meyer_Olkin_test
Kaiser_Meyer_Olkin_test(x, verbose=True)
```

2.1 引数

<code>x</code>	データ行列 (行がケース, 列が変数)
<code>verbose</code>	必要最小限のプリント出力をする

2.2 戻り値の名前

<code>"KMO"</code>	KMO
<code>"MSA"</code>	MSA

3 使用例

```
x = [[1, 5, 6, 4],
      [2, 14, 5, 3],
      [3, 3, 4, 2],
      [4, 2, 6, 6],
      [3, 4, 3, 5]]
```

```
import sys
sys.path.append("statlib")
from multi import Kaiser_Meyer_Olkin_test

a = Kaiser_Meyer_Olkin_test(x)
```

KMO = 0.53964

MSA = 0.54997 0.68706 0.30804 0.53201